

R-U106 Allele Diversity

Allele	All	UK&I	NWE	Sca	CE	NEE	SEE	SWE
393	0.1543	0.1225	0.1229	0.2148	0.1471	0.0392	0.1700	0.1667
390	0.5755	0.5687	0.5777	0.5094	0.4457	0.6361	0.5217	0.6667
19	0.1527	0.1336	0.1604	0.1761	0.0754	0.1835	0.2372	0.1667
391	0.4697	0.4701	0.4198	0.4651	0.4804	0.4165	0.5296	0.6818
385	0.5459	0.5956	0.6097	0.4928	0.5294	0.3804	0.5652	0.7121
426	0.0303	0.0148	0.0830	0.0000	0.0762	0.0000	0.0000	0.0000
388	0.0319	0.0148	0.0830	0.0000	0.0385	0.0392	0.0000	0.0000
439	0.6115	0.6454	0.5708	0.6268	0.5716	0.6157	0.4348	0.6212
389	0.5788	0.5594	0.5715	0.5980	0.5807	0.7663	0.6126	0.6667
392	0.1156	0.1089	0.1229	0.0908	0.1124	0.1145	0.2451	0.0000
458	0.6491	0.6587	0.6520	0.7577	0.6012	0.6031	0.6797	0.7121
459	0.3553	0.3785	0.2824	0.4654	0.4048	0.3027	0.4372	0.3030
455	0.0463	0.0451	0.0000	0.0500	0.0808	0.0392	0.0000	0.1667
454	0.0299	0.0302	0.0452	0.0500	0.0408	0.0392	0.0000	0.0000
447	0.5871	0.5971	0.6110	0.6590	0.4277	0.6863	0.6753	0.4394
437	0.2750	0.3061	0.2453	0.2718	0.1556	0.2416	0.3117	0.0000
448	0.1783	0.2265	0.0452	0.1449	0.0408	0.1835	0.1732	0.1667
449	0.6858	0.6762	0.7492	0.6731	0.6607	0.7020	0.7316	0.7121
464	0.9292	0.9274	0.8973	0.9051	0.9328	0.9380	0.9307	0.9242
460	0.4173	0.3850	0.4713	0.4670	0.5133	0.4447	0.4545	0.4091
GATA H4	0.4585	0.4239	0.5815	0.6066	0.3768	0.3529	0.4372	0.5303
YCA II	0.4634	0.5515	0.2401	0.2988	0.5195	0.3208	0.5931	0.0000
456	0.6618	0.6462	0.6606	0.6682	0.6915	0.5937	0.6147	0.6818
607	0.5094	0.5762	0.3660	0.4309	0.3245	0.2180	0.3680	0.4394
576	0.7081	0.6984	0.7504	0.7462	0.6986	0.6973	0.7143	0.7121
570	0.6159	0.5711	0.6193	0.6186	0.7447	0.7663	0.7316	0.4394
CDY	0.9345	0.9307	0.9283	0.9384	0.9379	0.9271	0.9481	0.9697
442	0.4497	0.4772	0.4745	0.5045	0.4947	0.3686	0.5281	0.1667
438	0.1015	0.0670	0.1153	0.1051	0.2332	0.4510	0.0000	0.1667
531	0.0593	0.0741	0.0606	0.1210	0.0526	0.1024	0.1250	0.0000
578	0.0894	0.1352	0.0606	0.0000	0.0526	0.0000	0.0000	0.0000
395S1	0.2075	0.2041	0.2495	0.1230	0.5320	0.1977	0.0000	0.3273
590	0.0173	0.0207	0.0000	0.0000	0.0526	0.0000	0.0000	0.0000
537	0.1092	0.0607	0.1188	0.1754	0.1024	0.0526	0.0000	0.1818
641	0.0364	0.0275	0.0308	0.0000	0.1038	0.0000	0.0000	0.0000
472	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000
406S1	0.1756	0.1849	0.1481	0.3246	0.1977	0.2902	0.2417	0.3455
511	0.2167	0.2852	0.2760	0.1794	0.1024	0.0000	0.2417	0.0000
425	0.1820	0.1597	0.3308	0.1230	0.3172	0.1494	0.4250	0.0000
413	0.4940	0.4840	0.6024	0.4819	0.3599	0.7639	0.7083	0.4909
557	0.4614	0.4798	0.4303	0.3730	0.4708	0.4651	0.6250	0.5636
594	0.1323	0.1929	0.0606	0.0000	0.1522	0.0526	0.0000	0.0000
436	0.0257	0.0138	0.0000	0.0625	0.0000	0.0526	0.0000	0.0000
490	0.0363	0.0275	0.0606	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1818
534	0.6370	0.6245	0.5894	0.7258	0.5932	0.6942	0.7000	0.6000
450	0.0258	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0526	0.1250	0.0000
444	0.3579	0.3288	0.4567	0.5020	0.4950	0.5519	0.4917	0.6182
481	0.4708	0.4239	0.3726	0.5403	0.5789	0.6216	0.6417	0.5455
520	0.2277	0.2474	0.2423	0.1210	0.2404	0.5135	0.1250	0.0000
446	0.3490	0.3363	0.3000	0.2843	0.4936	0.2432	0.6167	0.5818
617	0.0532	0.0676	0.0308	0.1210	0.0000	0.0526	0.0000	0.0000
568	0.1062	0.0739	0.2519	0.3306	0.0000	0.1024	0.3417	0.1818
487	0.1534	0.1129	0.2019	0.3246	0.1494	0.1935	0.2417	0.0000
572	0.1879	0.1547	0.2269	0.2339	0.2845	0.3642	0.1250	0.3273
640	0.0364	0.0274	0.0606	0.1230	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000
492	0.0780	0.1189	0.0894	0.0625	0.0526	0.0000	0.0000	0.1818
565	0.1506	0.1248	0.1981	0.1794	0.2404	0.1494	0.2417	0.1818
461	0.3121	0.2356	0.0000	0.4000	0.3333			
462	0.0444	0.0000	0.0000		0.0000			
A10	0.5879	0.6186	0.5357	0.6000	0.6000			

R-U106 Allele Diversity

Allele	All	UK&I	NWE	Sca	CE	NEE	SEE	SWE
635	0.4972	0.5776	0.0000		0.3333			
1B07	0.1376	0.0571	0.2500		0.7333			
441	0.2713	0.3282	0.2500		0.0000			
445	0.1588	0.1893	0.2500		0.0000			
452	0.2709	0.1901	0.6071		0.3333			
463	0.3546	0.3537	0.4286		0.3333			

Allele	All	UK&I	NWE	Sca	CE	NEE	SEE	SWE
--------	-----	------	-----	-----	----	-----	-----	-----

Allele diversity (h) calculated as:

$$h = \frac{n}{n-1} \left(1 - \sum_{i=1}^M x_i^2 \right)$$

n is number of haplotypes, M is the number of unique allele values and x_i is the allele frequency

Reference: *Arlequin* V3.1 Manual, Section 7.1.1.1 - Gene Diversity (from p. 180 of Nei, M., 1987 Molecular Evolutionary Genetics. Columbia University Press, New York, NY, USA.) [<http://cmpg.unibe.ch/software/arlequin3/arlequin31.pdf>]

<p>Region Index: UK&I - United Kingdom & Ireland NWE - North Western Europe Sca - Scandinavia CE - Central Europe NEE - North Eastern Europe SWE - South Western Europe SEE - South Eastern Europe</p>
