

R-U106x (L1-,U198-,L48-) Allele Diversity

Allele	All	UK&I	NWE	Sca	CE	NEE	SEE	SWE
393	0.2163	0.1930	0.1857	0.4667	0.0000	0.0000		
390	0.5089	0.4915	0.4095	0.5333	0.7333	0.5000		
19	0.2287	0.1871	0.2667	0.2000	0.0000	0.4167		
391	0.4816	0.4762	0.4286	0.4667	0.6000	0.5000		
385	0.6270	0.6590	0.6667	0.3778	0.3333	0.8056		
426	0.0731	0.0408	0.0952	0.0000	0.0000	0.0000		
388	0.0523	0.0408	0.1810	0.0000	0.0000	0.0000		
439	0.5438	0.5680	0.5762	0.6444	0.6000	0.6667		
389	0.5450	0.4218	0.8143	0.3556	0.0000	0.7500		
392	0.1319	0.0408	0.0952	0.0000	0.3333	0.2222		
458	0.6926	0.7041	0.7895	0.8222	0.4000	0.7143		
459	0.3390	0.3869	0.2684	0.5333	0.0000	0.2500		
455	0.0648	0.0799	0.0000	0.0000	0.0000	0.2500		
454	0.0220	0.0000	0.0000	0.2025	0.0000	0.0000		
447	0.5347	0.6088	0.5105	0.6444	0.4000	0.8571		
437	0.3274	0.4838	0.1895	0.5111	0.4000	0.2500		
448	0.1365	0.1531	0.1000	0.0000	0.0000	0.2500		
449	0.7135	0.7134	0.7684	0.7111	0.9000	0.8929		
464	0.8843	0.8980	0.8789	0.8222	0.9000	0.8630		
460	0.4052	0.3885	0.4684	0.5000	0.6000	0.4643		
GATA H4	0.3599	0.3663	0.4263	0.2222	0.6000	0.4286		
YCA II	0.5089	0.6022	0.2842	0.6944	0.6000	0.4643		
456	0.6099	0.5754	0.5632	0.4167	0.7000	0.6786		
607	0.4116	0.3904	0.4421	0.0000	0.4000	0.4643		
576	0.7521	0.7382	0.8263	0.7778	0.9000	0.8929		
570	0.6475	0.7021	0.6895	0.7222	0.4000	0.4643		
CDY	0.9274	0.8899	0.9474	0.9722	0.9000	0.9286		
442	0.4421	0.4986	0.4316	0.6667	0.6000	0.6071		
438	0.1287	0.1221	0.1000	0.0000	0.4000	0.4643		
531	0.0400	0.0513	0.1333	0.0000	0.4000	0.0000		
578	0.0268	0.0513	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000		
395S1	0.3646	0.3104	0.3429	0.0000	0.8000	0.3333		
590	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000		
537	0.0657	0.0513	0.1333	0.0000	0.0000	0.0000		
641	0.0268	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000		
472	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000		
406S1	0.2341	0.2375	0.2476	0.6071	0.4000	0.0000		
511	0.3338	0.4278	0.4571	0.0000	0.0000	0.0000		
425	0.0402	0.0513	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000		
413	0.5689	0.4764	0.7238	0.4286	0.4000	0.8667		
557	0.5613	0.5655	0.6000	0.4286	0.4000	0.6000		
594	0.0793	0.0000	0.0000	0.0000	0.4000	0.0000		
436	0.0268	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000		
490	0.0657	0.0513	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000		
534	0.6236	0.6221	0.7143	0.8929	0.7000	0.6000		
450	0.0135	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000		
444	0.3568	0.3549	0.4667	0.5714	0.4000	0.3333		
481	0.5028	0.5520	0.1333	0.7500	0.4000	0.3333		
520	0.2997	0.4480	0.2476	0.0000	0.4000	0.5333		
446	0.4122	0.4993	0.2571	0.4286	0.7000	0.5333		
617	0.1163	0.1012	0.0000	0.4286	0.0000	0.3333		
568	0.1411	0.0000	0.3429	0.6071	0.0000	0.3333		
487	0.2018	0.1012	0.4571	0.0000	0.0000	0.3333		
572	0.1884	0.1484	0.1333	0.0000	0.7000	0.3333		
640	0.0657	0.0513	0.1340	0.2552	0.0000	0.0000		
492	0.0791	0.1457	0.2476	0.0000	0.0000	0.0000		
565	0.1641	0.1930	0.1333	0.2500	0.4000	0.3333		

Allele	All	UK&I	NWE	Sca	CE	NEE	SEE	SWE
--------	-----	------	-----	-----	----	-----	-----	-----

Allele diversity (h) calculated as:

$$h = \frac{n}{n-1} \left(1 - \sum_{i=1}^M x_i^2 \right)$$

n is number of haplotypes, M is the number of unique allele values and x_i is the allele frequency

Reference: *Arlequin* V3.1 Manual, Section 7.1.1.1 - Gene Diversity (from p. 180 of Nei, M., 1987 Molecular Evolutionary Genetics. Columbia University Press, New York, NY, USA.)
[<http://cmpg.unibe.ch/software/arlequin3/arlequin31.pdf>]

Region Index:

UK&I - United Kingdom & Ireland
 NWE - North Western Europe
 Sca - Scandinavia
 CE - Central Europe
 NEE - North Eastern Europe
 SWE - South Western Europe
 SEE - South Eastern Europe